

SATZUNG ÜBER DIE 1. ÄNDERUNG DES BEBAUUNGSPLANES LU 2 "GEWERBEGEBIET GRANDWEG" DER STADT LUDWIGSLUST

TEIL A - PLANZEICHNUNG



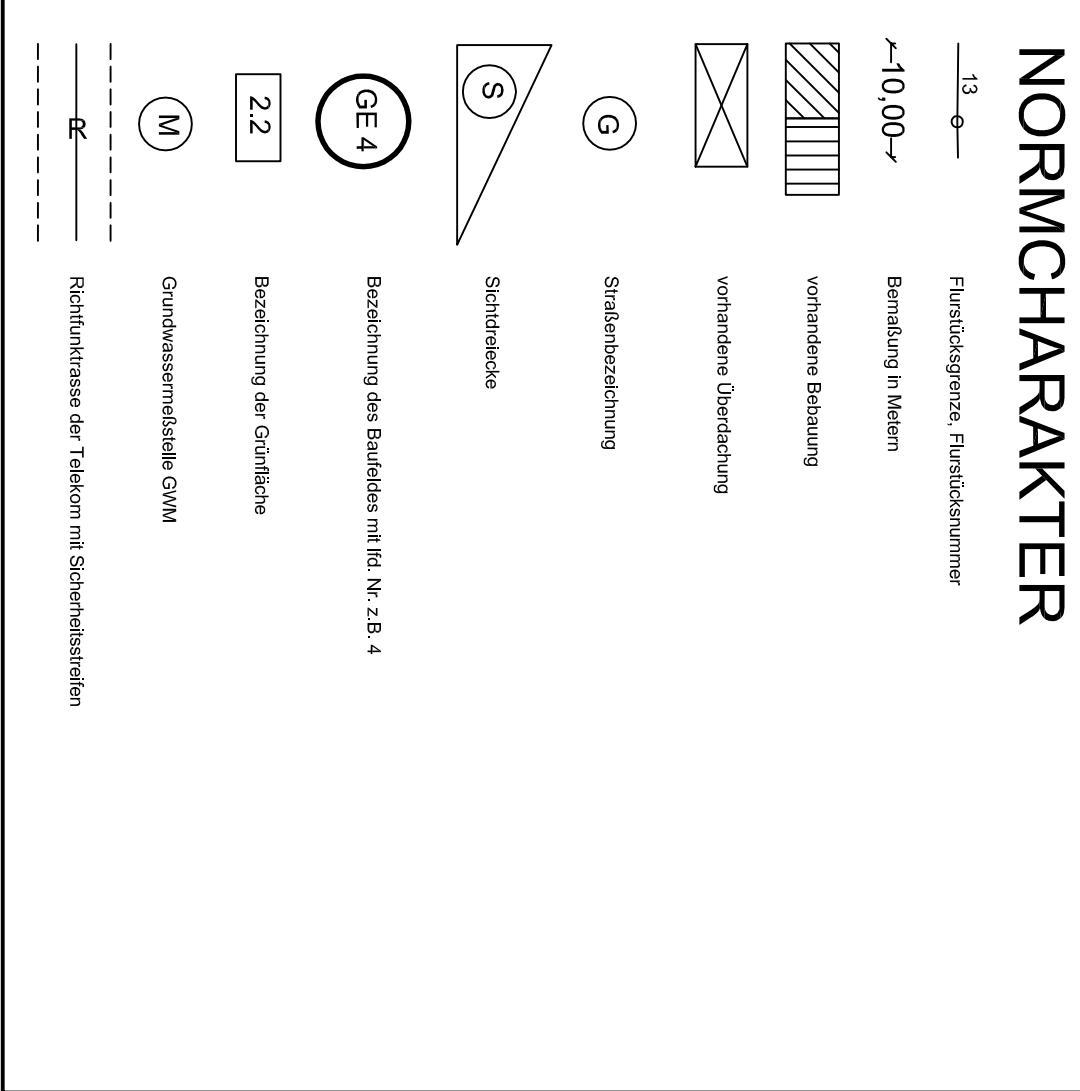
Zeichenerklärung

[illegible]

Verfahrensvermerke

- [illegible]

II. DARSTELLUNGEN OHNE



TEIL B - TEXT

- [illegible]

1. FLÄCHENBEZOGENER SCHALLEISTUNGSP

- | | | | |
|--|-----------------|--|------|
| <p>genetisch 1. Merkmal (Genotyp) ist erblich vererbbar, wenn Eltern mit demselben Merkmal Nachkommen mit demselben Merkmal erzeugen können (z.B. 2 Elternteile mit Blauem Auge erzeugen nur Kinder mit blauem Auge)</p> <p>(pp) ist ein rez. Merkmal, (P) ist ein dom. Merkmal.</p> | | <p>1.1.4.2c</p> <p>Genotypbestimmung</p> <p>max. 100% (vollständige Segregation)</p> | |
| 1 | Blauäugig (pp) | 67,5 | 50,0 |
| 2 | Blauäugig (pp) | 67,5 | 50,0 |
| 3 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 4 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 5 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 6 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 7 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 8 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 9 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 10 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |
| 11 | Braunäugig (Pp) | 67,5 | 50,0 |

1.2 Für die statistische Auswertung innerhalb des Populationsgenoms werden die Allelfrequenzen (p und q) für ein Merkmal (z.B. Blauäugigkeit) bestimmt. Die Allelfrequenzen (p und q) sind die relative Häufigkeit der Allele (p = p_{Blauäugigkeit}, q = p_{Braunäugigkeit}) im Genpool einer Population (p + q = 1). Die Allelfrequenzen (p und q) sind die relative Häufigkeit der Allele (p = p_{Blauäugigkeit}, q = p_{Braunäugigkeit}) im Genpool einer Population (p + q = 1).		2.1 In Populationen, die sich in Bezug auf ein Merkmal unterscheiden, kann die genetische Differenzierung (F_{ST}) bestimmt werden. F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	
2.2 F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).		2.3 F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	

1.1.4.2c Genotypbestimmung max. 100% (vollständige Segregation)		2.1 In Populationen, die sich in Bezug auf ein Merkmal unterscheiden, kann die genetische Differenzierung (F_{ST}) bestimmt werden. F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	
1	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
2	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
3	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
4	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
5	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
6	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
7	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
8	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
9	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
10	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
11	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0

1.1.4.2c Genotypbestimmung max. 100% (vollständige Segregation)		2.1 In Populationen, die sich in Bezug auf ein Merkmal unterscheiden, kann die genetische Differenzierung (F_{ST}) bestimmt werden. F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	
1	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
2	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
3	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
4	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
5	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
6	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
7	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
8	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
9	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
10	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
11	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0

1.1.4.2c Genotypbestimmung max. 100% (vollständige Segregation)		2.1 In Populationen, die sich in Bezug auf ein Merkmal unterscheiden, kann die genetische Differenzierung (F_{ST}) bestimmt werden. F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	
1	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
2	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
3	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
4	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
5	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
6	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
7	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
8	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
9	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
10	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
11	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0

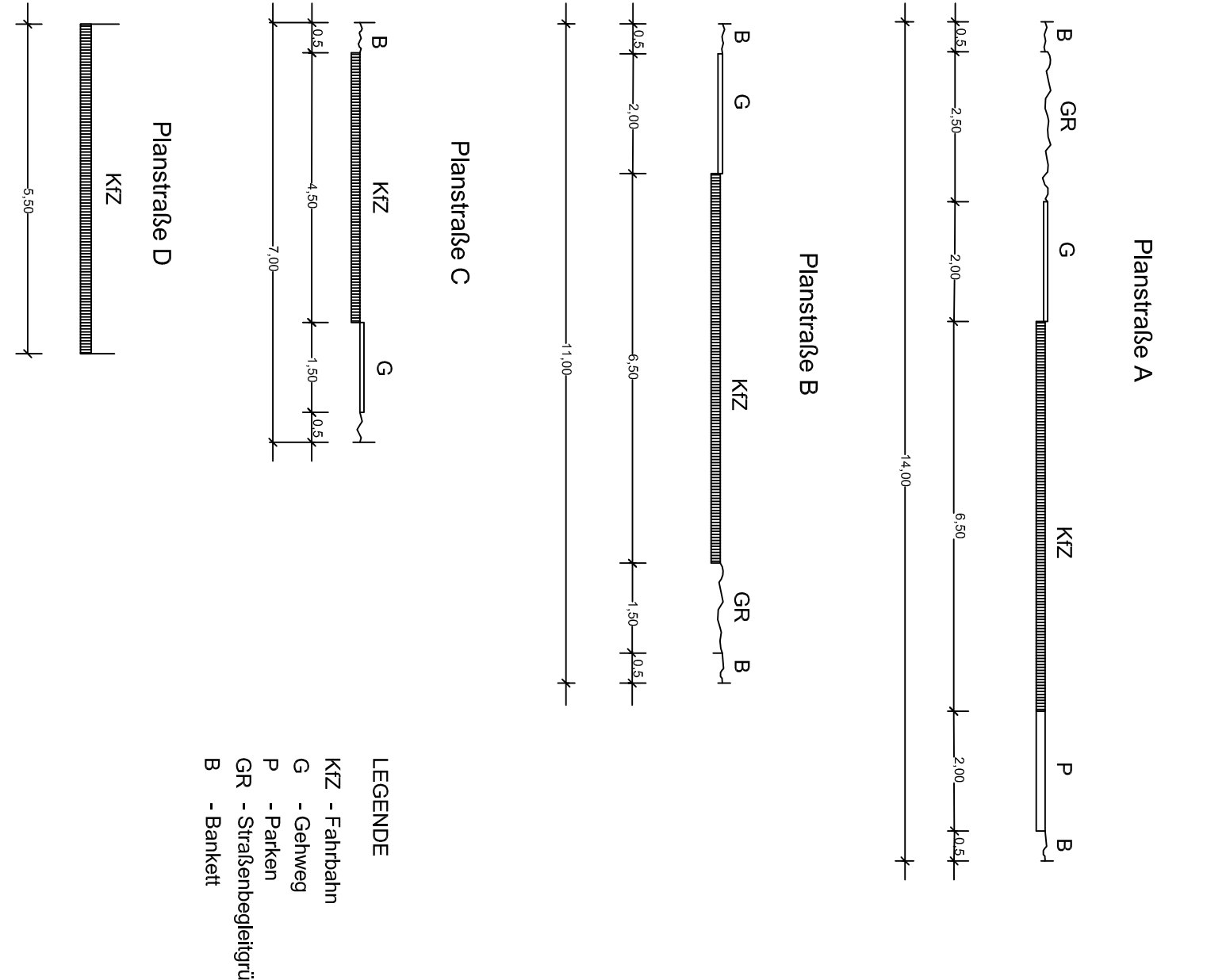
1.1.4.2c Genotypbestimmung max. 100% (vollständige Segregation)		2.1 In Populationen, die sich in Bezug auf ein Merkmal unterscheiden, kann die genetische Differenzierung (F_{ST}) bestimmt werden. F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1). F_{ST} ist ein Maß für die genetische Differenzierung zwischen Populationen (F_{ST} = 0 bis 1).	
1	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
2	Blauäugig (pp)	67,5	50,0
3	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
4	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
5	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
6	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
7	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
8	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
9	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
10	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0
11	Braunäugig (Pp)	67,5	50,0

1.1.4.2c Genotypbestimmung max. 100% (vollständige Segregation

Art und Maß der baulichen Nutzung

GE 5, 11		GE 6 - 9		GE 1 - 4 und 10	
GE	0,8	GE	0,8	GE	0,8
II	3	I	3	I	3
Th max. = 7,00cm		Th max. = 6,00cm		Th max. = 7,50cm	

EMPFEHLUNG FÜR STRASSENPROFILE



5. ERHALT DER GRUNDWASSERNEIESTELLE

- [illegible]

ÜBER DIE 1. ÄNDERUNG DES BEBAUUNGSPLANES LU 2
"GEWERBEGEBIET GRANDWEG" GEMÄß § 10 BAUGB

- [illegible]